

Compte rendu de la réunion du CAN du 02/03/2022 (Visio)

Rédigé par Carine Rey et relu par le cCAN

Personnes présentes :

Olivier Ali, Jacques Brocard, Estelle Devevre, Olivier Gandrillon, Nicolas Goudemand, Cécile Hilpert, Sandrine Hughes, Laurent Modolo, Carine Rey, Jocelyn Turpin

Excusé: Mourad Bekhouche

Retour sur la formation ImageJ (Jacques)

Jacques a fait un retour sur la formation ImageJ suite aux retours des questionnaires.

- 17 participant·e·s sur les 23 ont répondu.
- Les différents laboratoires de l'UAR étaient bien représentés
- Il a été apprécié qu'il y ait eu un groupe en anglais et un autre en français.
- Les participants ont relevé un petit manque d'harmonisation entre les contenus des différentes sessions. Cela a été ressenti aussi par les formateurs, mais cela vient d'un manque de temps dans la préparation.
- Il a été aussi demandé de faire plus de pratique et une formation plus longue.
- La salle de l'IBCP est parfaite mais l'installation des participants prend toujours du temps. Les séances (1h) étaient du coup un peu courtes.
- Les format·eurs·rices de cette année sont partants pour la refaire l'année prochaine. Parmi les format·eurs·rices il y avait des statutaires et une personne en CDD qui sera la encore une année. Jacques a aussi une piste pour un formateur supplémentaire.
- Une formation complémentaire plus avancée (sur les plugins R) pourrait être ajoutée en prolongement de cette formation.

Il a été convenu que la formation a été une réussite ! et qu'il faut la pérenniser.

La refaire une fois par an

Bilan pour l'année prochaine :

- Prévoir la formation à l'automne pour récupérer les nouveaux entrants (probablement Nov/Déc).
- Conserver un groupe EN et un groupe FR.
- Passer de 5 à 6 semaines et des séances de 1h30 pour pouvoir faire plus de pratique.
- Retoucher légèrement les contenus pour les harmoniser entre les séances

Retour sur la formation R Beginner (Sandrine & Laurent)

Sandrine a mis en place 2 questionnaires pour recueillir les retours des participants et des formateurs.

Retours des participants (15 répondant·e·s sur 39)

- Appréciations globales très bonnes (> 7/10)
- On n'a pas repris la répartition des provenances des différents participants mais d'après le sondage initial des besoins en formations, les différents laboratoires semblent bien représentés.
- Tou·te·s ont trouvé la formation très utile et ont apprécié les nombreux échanges avec les format·eurs·rices.
- Certain·e·s auraient aimé plus d'exemples reliés à la biologie.
- Les participant·e·s ont remercié les format·eurs·rices et l'effort de formation via l'espace des commentaires libres du questionnaire.

- Une formation plus avancée pourrait avoir lieu après cette formation sur les statistiques.
- Le format a convenu à la majorité (1h30/semaine). Le nombre de séances (10 à 12) a été variable entre les groupes, mais dans l'ensemble était ok pour la plupart

Retour format-eurs-rices

- Les format-eurs-rices ont aussi bien apprécié participer à cette formation. (90 % d'avis positifs).
- Ils ont eux même appris des choses.
- 3 ont pu valoriser ces heures pour leur thèse.
- Le taux d'encadrement était « luxueux » mais cela est important quand on s'adresse à des débutants.

Les retours sont très bons des deux cotés. Cette formation est aussi une réussite, bravo ! Un mail a été envoyé au nom du CAN par Olivier pour remercier les formateurs.

@@@@@@@@@@@@@@@@@@@@@@@@@@@@@@@@

Bonjour à tou-te-s

En mon nom, au nom du CAN et au nom de l'UAR Biosciences, je tenais à vous remercier chaleureusement pour votre participation à nos deux premières sessions de formation (R et ImageJ).

Les retours que nous avons eu montrent que au delà de l'aspect quantitatif (près de 60 personnes formées!) la qualité de ces formations a été unanimement appréciée, et semble-t-il par certain-e-s format-eurs-rices eux mêmes/elle mêmes, ce qui est vraiment super positif.

La totale réussite de ces formations, grâce à votre investissement nous a conduit à décider de les pérenniser. Merci à vous !

Olivier Gandrillon, pour le CAN.

@@@@@@@@@@@@@@@@@@@@@@@@@@@@@@@@

Bilan pour l'année prochaine :

- Garder le même format (séance d'1h30) et le même déroulé.
- Garder la même période (attention commencer tôt afin de finir avant Noël car beaucoup de séances).
- Peut être proposer un groupe anglophone. (Pas tous les groupes en anglais car sinon barrière de la compréhension, mais garder les supports en anglais)

Mail Vincent Navratil - Collaboration PRABI (Laurent)

Vincent Navratil, a envoyé un mail au nom du PRABI-amsb, pour savoir s'il était possible de faire des choses en commun en terme de formations en bio-informatiques sur Lyon. Le PRABI-amsb est un service hébergé par le LBBE (à la Doua) qui propose des prestations et des formations en bio-informatiques.

Olivier a insisté sur le fait que si quelque chose ce fait, il faut qu'il n'y ai pas d'ambiguïté sur sa gratuité.

Jocelyn a précisé qu'en plus de l'aspect formation le PRABI-amsb a également une forte activité scientifique, il existe ainsi déjà différentes collaborations entre des laboratoires associés au can et le PRABI-amsb. L'idée est également que les communautés bio-informatiques lyonnaises se rencontrent.

Un des problèmes possibles à anticiper est la localisation des formations (la doua vs ENS) mais cela peut être résolu par des formations sur des demi-journées ou des journées consécutives.

Laurent précise qu'il y a 4 ans le LBMC a eu recours à une formation (UNIX) payante du PRABI. Il y a eu une réduction car le LBMC proposait des formateurs. Il s'en est ensuite inspiré pour faire une formation récurrente au LBMC.

On va inviter Vincent N. la prochaine réunion du CAN pour discuter de ce qu'il est possible ou pas de faire de manière concrète (voir à la fin du CR)

Formations Futures :

Galaxy (Sandrine)

Galaxy est une interface web à destination des biologistes pour faire des analyses bio-informatiques. (<https://galaxyproject.org/>) C'est un outil flexible et il existe des dépôts d'outils disponibles. A l'origine, c'est un laboratoire aux Etats-Unis qui l'a développé mais maintenant il y a plusieurs instances dans le monde. Ce service peut être également déployé localement afin d'installer les outils qui nous intéressent.

Il existe un service Galaxy hébergé à l'ENS administré par Emmanuel Quemener.

Pour utiliser le galaxy de l'ENS il suffit d'avoir une adresse @ens-lyon.fr (les personnes du CIRI, non ENS, peuvent en faire la demande), puis d'en faire la demande à Emmanuel Quemener.

Cette outil permet de rendre accessible la bio-informatique à des personnes non initiées à la ligne de commande et surtout de garantir la reproductibilité des analyses via des workflows (successions de tâches prédéfinies). Ces workflows peuvent être récupérés de dépôts, partagés et aussi publiés.

Galaxy n'est pas utile que pour les données de séquençage, il faut regarder dans les dépôts publiques les autres utilisations possibles.

C'est aussi une porte d'entrée vers la bio-informatique via la ligne de commande.

Sandrine précise que les étudiants ont des TP sur cet outil et qu'elle a elle même fait des formations (initiation de 2h) à l'intention de tous les labos de biologie il y a 2 et 4 ans (3 groupes à chaque fois).

L'idée serait de faire une formation à destination des biologistes. Sandrine a déjà fait un sondage à l'IGFL et il y a des personnes intéressées.

Sandrine pourrait faire la formation. Elle aura peut être besoin d'une personne pour l'aider.

Bilan :

- Proposer une formation Galaxy avant l'été car sinon il y aura embouteillage à la rentrée avec la formation R et ImageJ.

Nextflow (Laurent)

Laurent propose pour le LBMC une formation à l'outil Nextflow. Il s'agit d'un gestionnaire de pipeline en ligne de commande. C'est un des équivalents de Galaxy en ligne de commande. Cet outil permet de faire n'importe quelles analyses de manière reproductible pour ceux qui savent coder.

La formation est composée en deux après midi, une première destinée à apprendre à utiliser git (un outil de versionnage du code) puis une demi-journée destinée à Nextflow. Lors de cette 2e demi journée, les participant-e-s vont créer un pipeline destiné à l'analyse d'expression différentielle.

L'objectif est de proposer les places disponibles aux autres laboratoires. Bien faire circuler l'information aux différentes unités via les représentants du CAN.

Les prochaines formations auront lieu le 10 mars (Git) et 17 mars (Nextflow).

Unix (Laurent)

Laurent est également prêt à lancer la formation UNIX qu'il avait préparé pour le LBMC. Elle a été conçu de

telle manière que les participant·e·s ont uniquement besoin d'une connexion internet et d'un navigateur internet installé sur leur machine. Cela est permis par l'utilisation du cloud de l'IFB (Institut Français de la bio-informatique).

Elle a été prévu pour 8 à 9 séances d'1h mais vu les retours des formations ImageJ et R, on pourrait plutôt la programmer sur des séances de 1h30 et faire moins de séances.

Il faudrait faire un sondage pour savoir le nombre de personnes intéressées pour ensuite recruter un nombre de formateurs suffisant.

On s'attend à ce qu'il y ait moins de monde que la formation R, de plus le taux d'encadrement à prévoir peut être légèrement inférieur à celui de la formation R.

Attention, il y a pas beaucoup de séances donc il faut se dépêcher pour ne pas la lancer trop tard. Objectif avant la fin de l'année scolaire. (?)

Point divers :

RAS

Prochaine réunion :

- Le 3 mai de 10 à 11h00 en visio
- Vincent Navratil et Philippe Veber sont invités
- L'ordre du jour sera principalement de discuter les formations possibles en collaboration avec le PRABI.